

СВЕДЕНИЯ

Об официальном оппоненте по диссертации Джимака Степана Сергеевича на тему: «Закономерности динамики состояний группы гетерогенных конденсированных веществ при модификации изотопного состава среды и внешнем механическом воздействии»

	ФИО	Ученая степень, звание, специальность, по которой оппонент защитил докт. диссертацию	Полное название организации, являющейся основным местом работы, структурное подразделение, должность, адрес организации, телефон, e-mail	Перечень основных публикаций по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет (не более 15)
1.	Туманян Владимир Гайевич	доктор физико-математических наук, профессор, 03.00.02 – Биофизика	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта Российской академии наук, лаборатория ДНК-белковых взаимодействий, главный научный сотрудник,	1. Torshin, I.Y., Namiot, V.A., Esipova, N.G. and Tumanyan, V.G., 2021. Numeric analysis of reversibility of classic movement equations and constructive criteria of estimating quality of molecular dynamic simulations. Journal of Biomolecular Structure and Dynamics, 39(11), P.4066-4076. 2. Milchevskaya, V., Nikitin, A.M., Lukshin, S.A., Filatov, I.V., Kravatsky, Y.V., Tumanyan, V.G., Esipova, N.G. and Milchevskiy, Y.V., 2021. Structural coordinates: A novel approach to predict protein backbone conformation. PloS one, 16(5), P.e0239793.

			<p>119991, г. Москва, ул. Вавилова, д. 32; тел.: +7 (383) 363-51-96; e-mail: vgt450@yandex.ru</p>	<p>3. Polyanovsky, V., Lifanov, A., Esipova, N. and Tumanyan, V., 2020. The ranging of amino acids substitution matrices of various types in accordance with the alignment accuracy criterion. BMC bioinformatics, 21(11), P.1-25.</p> <p>4. Torshin, I.Y., Batyanovskii, A.V., Uroshlev, L.A., Tumanyan, V.G., Volotovskii, I.D. and Esipova, N.G., 2019. The Conformational Stability/Lability of Peptide Fragments in the Sequence Context of Amino Acids. Biophysics, 64(2), P. 182-194.</p> <p>5. Uroshlev, L.A., Kulakovskiy, I.V., Esipova, N.G., Tumanyan, V.G., Rahmanov, S.V. and Makeev, V.J., 2018. Role of structural water for prediction of cation binding sites in apoproteins. Journal of Biomolecular Structure and Dynamics, 36(1), P. 221-232.</p>
--	--	--	---	--

Председатель диссертационного совета 24.2.320.03



В.А. Бабешко

Ученый секретарь диссертационного совета 24.2.320.03

М.В. Зарецкая